

Pracownia Bioinformatyki - Cennik zewnętrzny**Kierownik: Michał Dąbrowski (m.dabrowski@nencki.edu.pl)**

Lp.	Nazwa usługi	Jednostka rozliczeniowa	Instytucje naukowe Cena netto* (PLN)	Partnerzy komercyjni Cena netto* (PLN)
1	Wsparcie wielkoskalowych metod proteomicznych: parsowanie plików wynikowych, wsparcie bazodanowe, analiza statystyczna, analiza funkcjonalna i wizualizacja.	1 zbiór danych	7.000,00	8.750,00
2	Wsparcie wielkoskalowych metod metod mikromacierzowych (wspieranych przez R/Bioconductor): przetwarzanie wstępne, analiza statystyczna, analiza funkcjonalna i wizualizacja.	1 zbiór danych	7.000,00	8.750,00
3	Wsparcie wielkoskalowych metod genomicznych (RNA-seq, ChIP-seq, DNase-seq): filtracja, uliniowanie, mapowanie, analiza statystyczna, funkcjonalna i wizualizacja.	1 zbiór danych	9.800,00	12.250,00
4	Analiza statystyczna i obrazowanie wielowymiarowych danych.	1 zbiór danych	7.000,00	8.750,00
5	Analiza i wizualizacja obszarów regulatorowych genów wykorzystujące bazę danych Nencki Genomics Database (człowiek, mysz, szczur).	1 gen w lub 1 zapytanie	280,00	350,00
6	Symulacje dynamiki molekularnej białek o znanej strukturze 3D: przygotowanie, symulacje i analiza trajektorii.	1 białko	7.000,00	8.750,00

***Całkowity koszt usługi brutto obejmuje cenę netto + 23% VAT**